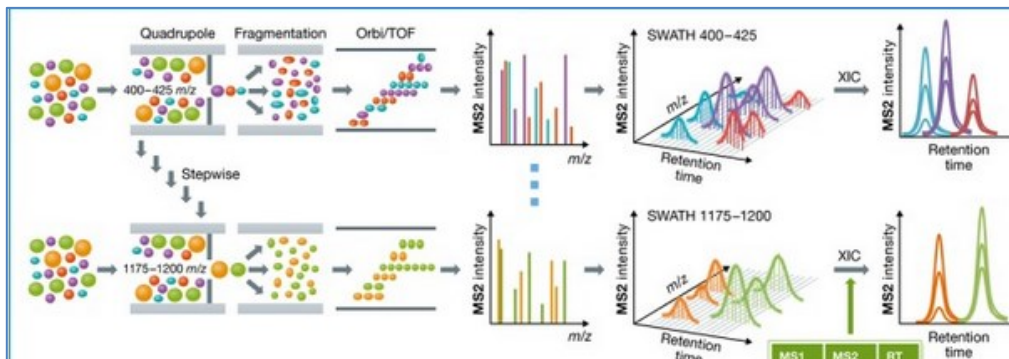


Masterarbeit



Am Institut für Funktionelle Genomik ist eine interdisziplinäre Masterarbeit für Studierende der Studiengänge Computational Science, Physik, Biochemie oder Chemie für die Auswertung von hochdimensionalen Proteomdatensätzen von über 500 Lymphomen zu vergeben. Das Proteom von humanen Geweben umfasst mehrere tausend verschiedene Proteine, die mit modernen massenspektrometrischen Techniken simultan quantitativ bestimmt werden können. Die erhaltenen hochdimensionalen Daten sind dabei von erheblicher Komplexität und erfordern die Anwendung von innovativen bioinformatischen Analysemethoden. Ziel der Arbeit ist die Etablierung einer optimierten Pipeline zur Auswertung der anfallenden quantitativen experimentellen Proteom-Daten. In diesem Zusammenhang sollen verschiedene vorhandene bioinformatische und statistische Analyseverfahren systematisch getestet und verglichen werden. Die Arbeit bietet die Möglichkeit, einen fundierten Einblick in die Auswertung von hochdimensionalen biologischen/medizinischen Daten in einer interdisziplinär ausgerichteten Arbeitsgruppe zu erhalten. Erwartet wird die Bereitschaft sich unter Anleitung in die entsprechenden Programme einzuarbeiten und sich mit der Programmiersprache R vertraut zu machen. Bei Interesse wenden Sie sich bitte an Dr. Katharina Limm (Tel. 0941/943-5004), Prof. Wolfram Gronwald (Tel. 0941/943-5015) oder Prof. Peter Oefner (Tel. 0941/943-5014). Wir freuen uns auf Ihre Bewerbung per E-Mail an: katharina.limm@ukr.de, wolfram.gronwald@ukr.de oder peter.oefner@ukr.de.